

Table 5 Estimates of general (bold) and specific combining for the AUDPC † and FDS †† in F1 and F2 generation of diallel crosses (excluding reciprocals)

Parent	Trait/ Generation		CPAN 1796	NW 1014	HD 2329	MACS 2496	PBW 373	RAJ 3077	VL 738	HS 1138-6-4	SONALIKA
CPAN1796	AUDPC	F1	-0.32**	0.11**	0.08*	-0.19**	-0.13**	-0.09*	-0.14**	-0.42**	-0.55**
		F2	-0.16**	-0.09*	-0.17**	-0.14**	-0.05	-0.03	-0.05	-0.21**	-0.18**
	FDS	F1	-0.21**	0.03	0.01	-0.18**	-0.09**	-0.05*	-0.11**	-0.30**	0.05*
		F2	-0.16**	-0.08	-0.16**	-0.02	-0.01	0.03	-0.02	-0.10*	-0.05
NW1014	AUDPC	F1		-0.28**	0.12**	-0.17**	-0.14**	-0.27**	-0.38**	-0.36**	-0.19**
		F2		-0.11**	0.01	-0.11*	-0.08	-0.05	0.00	-0.22**	-0.29**
	FDS	F1		-0.17**	0.08**	-0.15**	-0.12**	-0.17**	-0.25**	0.13**	-0.21**
		F2		-0.08*	0.14**	0.02	-0.05	-0.04	0.08	-0.16**	-0.19**
HD2329	AUDPC	F1			-0.26**	0.29**	0.16**	-0.26**	-0.28**	-0.43**	-0.64**
		F2			-0.02	-0.01	-0.06	-0.04	0.12**	-0.34**	0.26**
	FDS	F1			-0.15**	0.19**	0.10**	-0.18**	-0.12**	-0.33**	-0.14**
		F2			-0.01	0.03	0.07	0.02	0.21**	-0.23**	0.08
MACS2496	AUDPC	F1				0.01	-0.28**	0.24**	-0.21**	-0.02	-0.04
		F2				0.05	0.14**	-0.22**	-0.30**	-0.38**	0.58**
	FDS	F1				0.05**	0.02	0.13**	-0.04*	-0.12**	-0.10**
		F2				0.07*	0.18**	-0.19**	-0.24**	-0.25**	0.28**
PBW373	AUDPC	F1					-0.05	-0.51**	0.36**	-0.68**	0.37**
		F2					-0.07*	-0.10*	-0.08	-0.36**	-0.57**
	FDS	F1					-0.04**	-0.30**	0.15**	-0.48**	0.15**
		F2					-0.04	-0.08	-0.06	-0.24**	-0.37**
RAJ3077	AUDPC	F1						0.06*	0.47**	0.34**	0.26**
		F2						-0.14**	0.02	-0.10*	-0.35**
	FDS	F1						-0.02	0.35**	0.17**	0.11**
		F2						-0.11**	0.06	0.03	-0.14**
VL738	AUDPC	F1							0.17**	0.28**	0.21**
		F2							-0.07*	-0.13**	-0.48**
	FDS	F1							0.06**	0.17**	0.05*
		F2							-0.04	0.00	-0.23**
HS1138-6-4	AUDPC	F1								0.25**	0.15**
		F2								0.18**	0.11*
	FDS	F1								0.16**	0.00
		F2								0.15**	0.17**
SONALIKA	AUDPC	F1									0.40**
		F2									0.33**
	FDS	F1									0.31**
		F2									0.22**

† Area Under Disease Progress Curve and †† Final Disease Severity

*, ** Significant at P<0.05 and 0.01, respectively